

# Genetische Marker in der Sojazüchtung

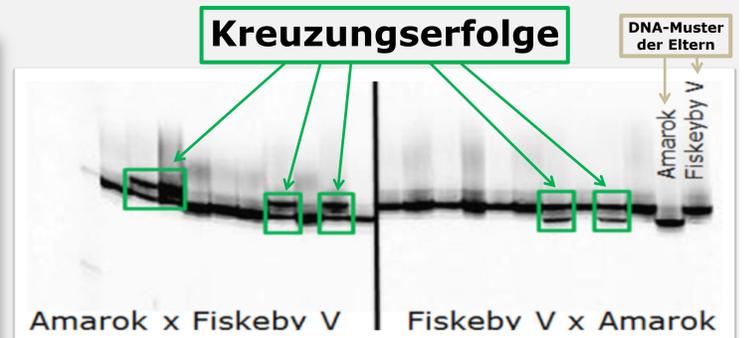
## 1. LfL entwickelt DNA-Test für Kreuzungsnachweis bei bayerischer Soja



*Kreuzung oder Selbstung?*



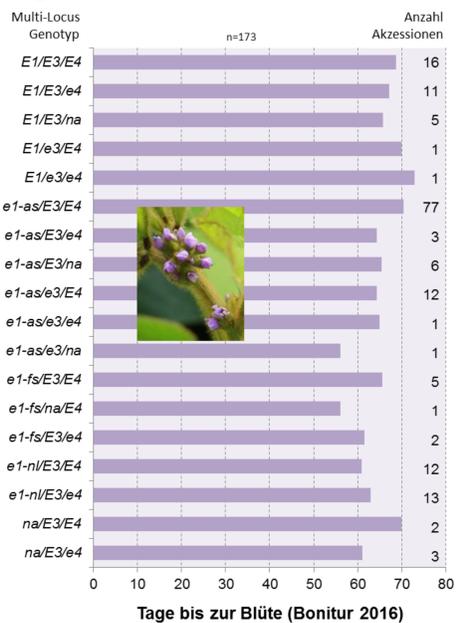
*Material für die Durchführung*



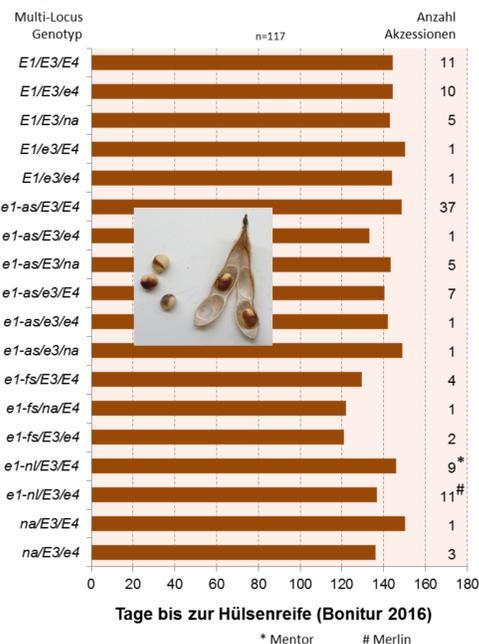
**Kreuzungsidentifikation**  
*Gelbild mit DNA-Muster*

## 2. Wann blüht Soja – was sagt der Marker?

### Blühene:



### Blühene:



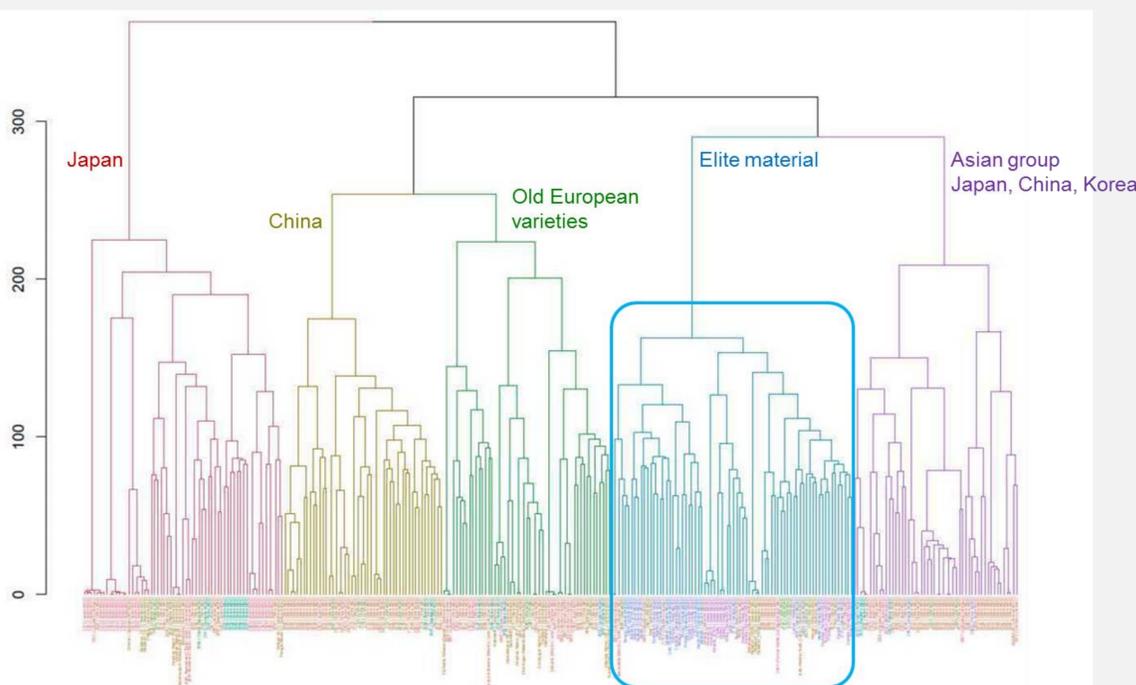
### DNA-Analyse der Blühene:

Für die Hauptgene des Blühzeitpunktes (*E1, E3, E4*) wurden molekulare Marker entwickelt und die nachweisbaren Allele mit den Felddaten verglichen.



*Sojablüten*

## 3. Analyse der genetischen Diversität bei Soja



*Sojastammbaum basierend auf DNA-Analysen*



*Sojabohnen aus der Genbank*

### Stammbaum Soja:

Es konnte ein Stammbaum von 66 Sojasorten und 184 Genbanklinien basierend auf 4.867 DNA-Markern berechnet werden. Zu sehen sind fünf Hauptcluster, die jeweils farblich unterschieden dargestellt sind. Die Farben der Beschriftung kodieren die zugrundeliegenden unterschiedlichen geographischen Herkünfte der Sojalinien. Blau markiert: aktuell genutzte Sorten  
**Ziel: Markerbasierte Kreuzungspläne**